

10 20 30 40 50 60
 LYC3 MLLALVCLLSCLLPSSSEAKLYGRCELARVLHDFGLDGYRGYSLADWVCLAYFTSGFNAAA
 : . . : : : : : : : : : : : : : : : : : :
 gi|1790947 MRALIILGLVLLSVTVQGKIFERCELARTLKKLGLDGYKGVSLANWVCLAKWESGYNTEA
 10 20 30 40 50 60

70 80 90 100 110
 LYC3 LDYE-ADGSTNNGIFQINSRRWCSN-LTPNVPNVCRMYSDDLNP NLKDTVICAMKITQE
 . . . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
 gi|1790947 TNYNPGDESTDYGIFQINSRYWCNNGKTPGAVDACHISCSALLQNNIADAVACAKRVVSD
 70 80 90 100 110 120

120 130 140
 LYC3 PQGLGYWEAWRHHHCQGKDLTEWVDG CDF
 : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
 gi|1790947 PQGIRAWVAWRNHCQNKDVSQYVKGCGV
 130 140

Fig. 1A

10 20 30 40 50
 LYC3 MLLALVCLLSCLLP-SSEAKLYGRCELARVLHDFGLDGYRGYSLADWVCLAYFTSGFNAA
 : . . : : : . . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
 sp|00702 MRSLLILVL-CFLPLAAPGKVYGRCELAAAMKRMGLDNYRGYSLGNWVCAAKFESNFNTG
 10 20 30 40 50

60 70 80 90 100 110
 LYC3 ALDYEADGSTNNGIFQINSRRWCSN-LTPNVPNVCRMYSDDLNP NLKDTVICAMKITQE
 : . . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
 sp|00702 ATNRNTDGSTDYGILQINSRWWCNDGRTPGSKNLCHIPCSALLSSDITASVNC AKKIVSD
 60 70 80 90 100 110

120 130 140
 LYC3 PQGLGYWEAWRHHHCQGKDLTEWVDG CDF
 . . . : : : : : : : . . : : :
 sp|00702 GNGMNAWVAWRKHCKGTDVNVWIRGCRL
 120 130 140

Fig. 1B

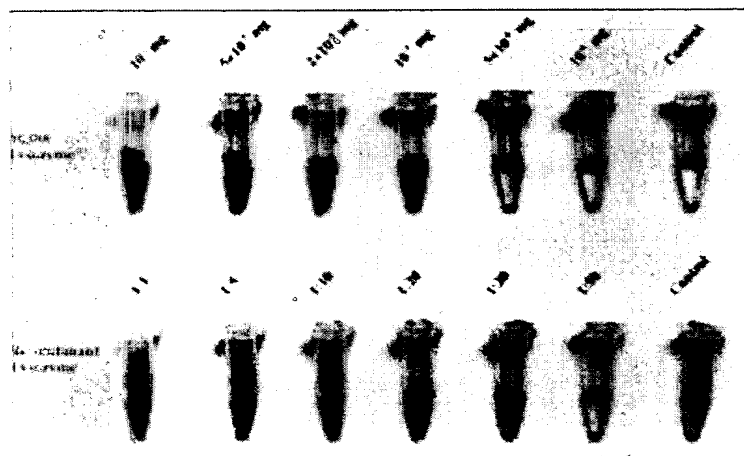


Fig. 2